

ACLSセミナー

「東工大発のバイオインフォマティクス・ソフトウェアを使ってみよう」

日時：平成30年3月20日（火） 15:00-16:30

場所：J3棟4階406号室（すずかけ台キャンパス）

標準的に使われるBLASTより約240倍高速な相同性検索ツールGHOSTZや、立体構造データから網羅的かつ高速にタンパク質の相互作用を予測するMEGADOCKについて、概要及び使い方を短時間で簡潔にご紹介します。

1. メタゲノム解析による歯周病マーカーの探索

伊澤和輝（情報理工学院 研究員）（45分）

2. クラウドを活用した網羅的なタンパク質間相互作用予測

大上雅史（情報理工学院 助教）（45分）

司会：秋山 泰（情報理工学院 教授）

※インターネットにアクセスできるノートPCを持参いただくと、ソフトウェアの動作の一部について実際に体験できます。

事前申込みは不要です。どなたでもご参加いただけます。

〈問合せ先〉 情報生命博士教育院 すずかけ台事務室
office@acls.titech.ac.jp